

Usando o R

Explore a Página Oficial do R

Esta é a referência básica para usuários de R, que inclui programas para download, listas de discussão, e muita documentação e ajuda: <http://www.r-project.org/>.

Explore as seções, começando pelas FAQ. Leia atentamente a seção 2 (**R Basics**) das FAQ.

A página tem uma grande lista de documentação, na seção "Documentation". Há um wiki em construção, e ainda um pouco irregular, mas com boas seções, como a de dicas. Além disso, há excelentes manuais introdutórios feitos por vários voluntários na seção de "[Contributed documentation](#)".

Instale o R em seu Computador de Trabalho

Ao fim de cada aula teórica você receberá uma lista de tutoriais e exercícios que serão discutidos na aula seguinte. Por isso, providencie um computador de trabalho e instale o R nele.

Na página principal do R clique no link para o CRAN (o que é isto? veja [no wiki!](#)), e escolha o repositório mais próximo de você para baixar arquivos de instalação.

Siga as instruções das FAQs para baixar e instalar a versão mais recente do R para seu sistema operacional.

Vá à seção de pacotes adicionais do R, que te enviará para uma lista e breve descrição dos pacotes disponíveis para baixar. Nela você pode ter uma idéia da quantidade e diversidade de aplicações que a comunidade de usuários do R já desenvolveu. Uma visão temática destes pacotes é fornecida nas "Task Views", cujo link está na página de pacotes.

Veja a Task view "Environmetrics", que descreve as aplicações disponíveis para ecologia. Escolha um dos pacotes e instale em seu computador.

Instalando R no Linux

Para aqueles que utilizam o sistema operacional Linux há um bom tutorial para instalação do R disponível em: <http://ecologia.ib.usp.br/labtrop/doku.php?id=labtrop:dicas:intalarunbutu>

Familiarize-se com o R

Abra o R em seu computador. Você verá um prompt de comando em forma de sinal de maior (>). Digite no prompt cada linha do código abaixo e tecle enter para executar. Cuidado com erros de digitação, que possivelmente gerarão erros de sintaxe, o que resultará em uma mensagem de erro.

Tente inferir o que cada comando faz a partir do resultado obtido, mas não se preocupe com detalhes. O objetivo é apenas familiarizar-se com o ambiente do R.

Discutiremos este tutorial na primeira aula.

```
area <- c(303, 379, 961, 295, 332, 47, 122, 11, 53, 2749)
riqueza <- c(3, 10, 20, 7, 8, 4, 8, 3, 5, 23)
area
riqueza
summary(area)
summary(riqueza)
mean(x=area)
varea <- var(area)
varea
sqrt(varea)
sd(x=area)
mean(riqueza)
var(riqueza)
sd(riqueza)
plot(x=area, y=riqueza, xlab="Area (ha)", ylab="Número de Espécies")
modelo1 <- lm(riqueza~area)
summary(modelo1)
previsto <- fitted(modelo1)
riqueza - previsto
residuals(modelo1)
par(mfrow=c(2,2))
plot(modelo1)
par(mfrow=c(1,1))
plot(x=area, y=riqueza, xlab="Area (ha)", ylab="Número de Espécies")
abline(modelo1)
plot(x=area, y=riqueza, xlab="Log Area (ha)", ylab="Log Número de Espécies",
log="xy")
modelo2 <- lm(log(riqueza,base=10)~log(area,base=10))
summary(modelo2)
par(mfrow=c(2,2))
plot(modelo2)
par(mfrow=c(1,1))
plot(riqueza~area, xlab="Log Area (ha)", ylab="Log Número de Espécies",
log="xy")
abline(modelo2)
# O que este comando faz?
## Fim!
```

From:

<http://labtrop.ib.usp.br/> - Laboratório de Ecologia de Florestas Tropicais

Permanent link:

http://labtrop.ib.usp.br/doku.php?id=cursos:ecor:05_curso_antigo:r2011:usor

Last update: **2020/07/27 21:45**

